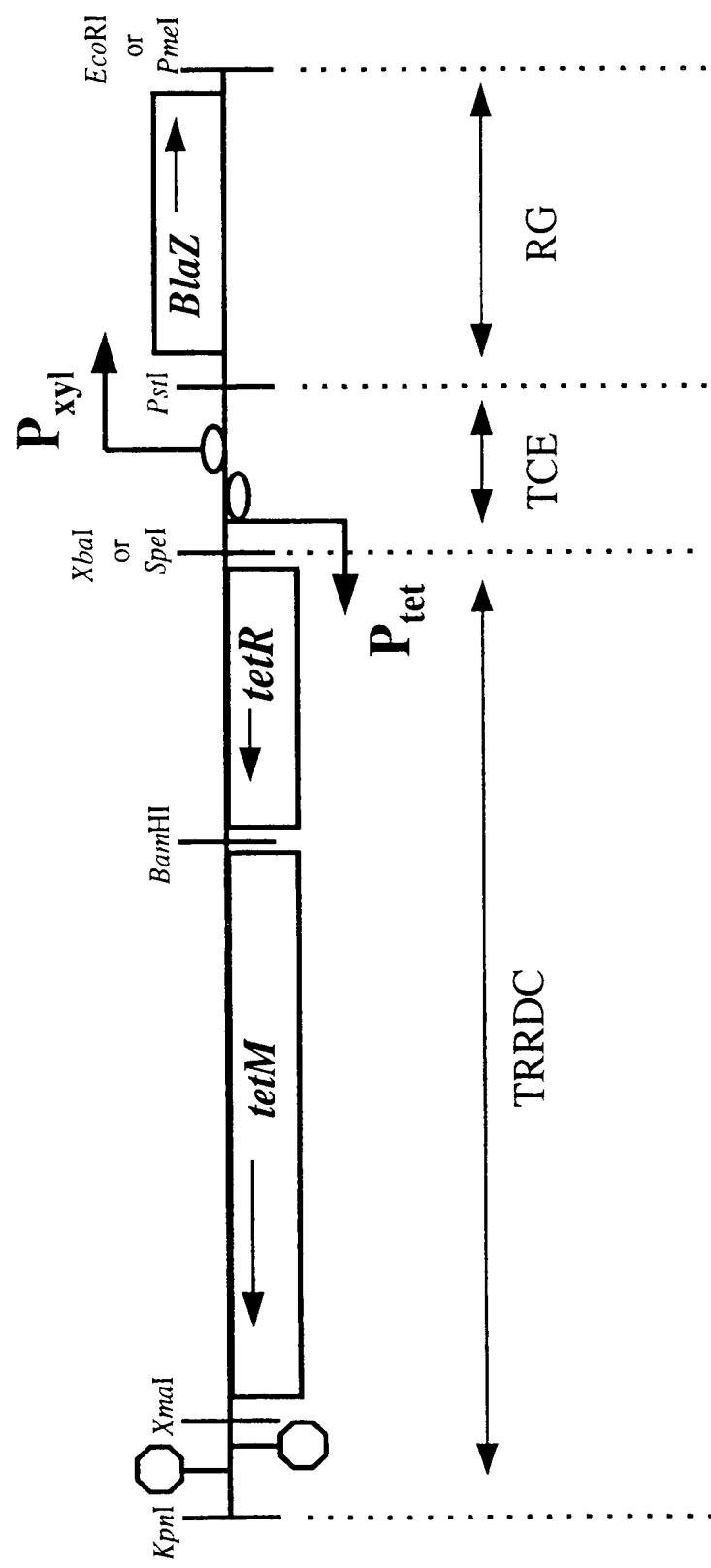


Fig. 1



2/14
Fig. 2

sarA terminator

KpnI -----> <----- *terminator*
ggtaaccgaagttttagatgatacattctattaaacttccttttat
|-----|-----|-----|-----|----- 50
ccatggcttcaaactatctactatgtaaagataatttgaaggaaaaata

gctctgaaaaacaatgattatctaccttatttagtgcagatagataacca
|-----|-----|-----|-----|----- 100
cgagactttttgttactaatagatggaataatcacgtctatctattgg
terminator-----> <-----
pcrB terminator

XmaI

ttgtttatccccggg
|-----|--- 114
aacaaatagggcc

SEQ. I.D. 33

3/14
Fig. 3

XmaI

cccggttaggacacaatatccacttgttagttataataacgatctcctcc 50
tttccacttaattcaaatacttatattaaagaatattcatcttatttaat 100
aagaaaccatatttatataacaacataaaaacgcactaagtattttattg 150
aacatatatcttactttatctatccgactatttagacgacgggtctggca 200
aacaggttcgcagtgtaaccgtatccctttagctctgctaaacaaa 250
cactaagcccattgtaaaaaaaaagttaaatcatcgataatcttgaata 300
catcgagcaggaatttctccaataataatgacccattattttcagttg 350
agtatttacgatattgcacaatattggagcatcgatccgttatatggccgtg 400
aaagatattccctgtggcataaactttaaaactaagatatggctctaac 450
aattctgttccagctttctaaaggcttgcctcagtgataataggagtaag 500
catccgaaaaatctgctggagtgactaacacaggctatagtataaacgctact 550
taaaacagattttacaatccgtcacattccaaaccatataatccctgttcg 600
caaccatagcgtatccctccataactgcatttgcattttgattgatttaa 650
gtatccaagagaaaccgagctctcataactgcattccacttccaaacggaa 700
gcgggtgatacagataaaccatggaaagcccagaaaggatttggccgact 750
tcgatgtgaatggtatattctgcatttttaacggctctccatataat 800
gactgtaggcttttagttctatctccacatgatactttcttgcacaaca 850
gtgcactaatcactccatttgactttccctaagaaagaaagtataatt 900
tcatgtgtcgtagaatccacgtaatatcgtagaagcggatcactatctga 950
gatttccaaaagggcatcaagcaacatttctctgtttaggttactcg 1000
gttcaacagttttgttagtagaggggtcggatttcaatcttttctc 1050
tgtggcaatagttgtatctccaagaacactatttaacttcaaaaactc 1100
attttgcaaaaataacaatttctccagaataagctctatcaatcttacata 1150
attcaccatttattgaagtatacatttctgtacttttatttttctt 1200
tctgatactctaaccgaatctcgtaaatgttagtactccactataaaggcg 1250
tatatatgcaagacgttgtctttttgtatattcaattttgaaaacat 1300
ttccgcaaaagttcagacggacccgtatgttgtatgaataaaatttatta 1350
gtaataacttctataaggttatcaatccctatattactttgcacttcc 1400
atgataaaagagggAACAGAGAACATTCTGAAATCTTGTCTTCTT 1450
gttcgagttccaatgctctaatgatttaccggacatatttctctaaa 1500
aggcatcgatcccttattaccgtatcccattgtttagattcgtaaaa 1550
gttcgtcacacacatattaggatacagttctacattctgtttgattacaa 1600
tttcggcagaaagttctctttaatattctgataaaaccgttgataaatca 1650
attccatttggtaatcttattgataaaaaagattgtggaatccccat 1700
tttcctaagtgcataataatatacgatgttgtcttgcataatctt 1750
ttgcagaaatcagtagaaattgcctcatctaaaactgataatgaacgatata 1800
acttctgctaagaaatccatatgtcctggcgtgtctatgatgttccacctt 1850
cgtatttccactgaaaaagaggttattcctgtctgaattgttaattcctc 1900
tctgacgttctaaaagcgttattatccgtcctcgttgcacccctccacg 1950
cttcctaattctgtaatcgctccactgttatataataagcttctgttaa 2000
ggtagttttcctgcataacatgagctaaaactccaaatattaataattt 2050
tcatgtgattttcctcattggatcc 2076

BamHI

SEQ. I.D. 34

4/14
Fig. 4A*BamHI*

ggatccttaagacccactttcacat	ttaaagttgtttcta	atccgcata	50
tgatcaattcaaggccgaataaga	aggctggctctgcac	cttggt	100
aataattcgatagcttgcgt	taataatggcggcata	actatcagt	150
tgtttcccttctttagcgactt	gatgtgc	cttgcata	200
aacctaaaatggccacagcg	cgtgactgt	atataatgcatt	250
agaaaaacccatgttggcata	aaaaaggct	attgatttcgag	300
actgttttctgttaggccgtg	tactttgc	ccatcgcgat	350
aagcacatctaaaacttt	tagcg	tattacgtaaaaat	400
tccccttctaaaggc	aaaagt	gtatgg	450
ggctaaggcg	tcgagcaa	ggccgttat	500
taggctgct	ctacac	ctggcgagtt	550
tcgattccgac	ctcatta	acgtcta	600
tttatcta	atctaga	atgcgcgtt	615

XbaI

SEQ. I.D. 35

5/14
Fig. 4B

BamHI

ggatccttaagaccacttacatccaattttgtttctaatccgcata
tgatcaattcaaggccgaataagaaggctggcttcgcacccatggatca
aaaattcgatagcttgtcgtaataatggccgcataactatcagtagttagg
tggttcccttcttcttagcgacttgatgtctgtatcttccaaatacgc
aacctaaagtaaaatgcccccacagcgctgagtgcatataatgcattct
agaaaaaccttggcataaaaaggctaattgattttcgagagttcat
actgttttctgttaggccccgtgtactttgtccatcgcgatgacttagta
aagcacatctaaaacttttagcgttattacgtaaaaaaaaatcttgccagctt
tcccccttctaaaggcggaaaagtgagtgatggtgcctatctaacatctcaat
ggctaaaggcgtcgagcaaagcccgcttatttttacatgccaatacaatg
taggctgctcacacctagcttctgggcgagttacgggtgttaaacct
tcgattccgacacttacatggcgttacactttact

XbaI

tttatctaatctagacatcattaattcctaattttgttacgacactct 650
atcattgatagagtatttgtcaaact**gt** 680
SpeI

SpeI

SEQ. I.D. 36

6/14
Fig. 5

XbaI

tctagacatcattaattcctcctttgttgcACCTCTATCATTGATAGA
 |-----|-----|-----|-----|-----|-----|-----|-----|
 agatctGTAgtaattaaggaggaaaaacaactgTGAGATAGTAACATCT
 <-Met -10 50
 P_{tet}

SpeI

GTtatttgtcaaactagtttttatttgcgagttcataaaaactaaaa
 |-----|-----|-----|-----|-----|-----|-----|-----|
 CAataaacagtttgatcaaaaaataaacagctcaagtacttttattt
 -35 100

P_{xy1}

-35 -10 P_{PstI}
 aaaatggacACTCTATCATTGATAGAGTataattaaaataaaaaagctgc
 |-----|-----|-----|-----|-----|-----|-----|-----|
 ttttaactgTGAGATAGTAACATCTCATattaatttttttcgacg
 tetO 150

ag
 | - 152
 tc

SEQ. I.D. 39

7/14
Fig. 6A*PstI*

ctgcagcggagggtttat	ttgaaaaagttaatat	tttaattgttaattg	50
cttagtttaagtgc	atgtaa	cacatgccaa	100
aatgattt	aaaaaaaata	atgc	150
tactaaa	agtggta	atgg	200
atgcttcaactt	caaa	cgataaa	250
ccttataata	agtt	ataaa	300
tgcttattctc	tat	tttagaaaaat	350
agcacttattgagg	cttcaat	gacatata	400
aaattataaa	agaaatcggt	ggaatca	450
gaactaggagataaa	agtaaca	aatccagg	500
ttactattcacc	aaagagca	aaaaagata	550
gtaa	gactttaaataa	acttatcg	600
aaaaaattcttactt	gat	ttaaatgtt	650
aattaaagacgtgtt	ccaaa	actataagg	700
aagcaataacat	atgttt	ttgtgtt	750
ggccaatctgaa	ccat	tttagtcattt	800
aagtgataagccaa	atgataag	ttacgaaataa	850
tgaaggaattt	taagaat	tcgc	876

EcoRI SphI

SEQ. I.D. 38

8/14
Fig. 6B*PstI*

ctgcagcggagggttattttgaaaaagttaatatttttaattgttaattg	50
cttagtttaagtgcattgtaaatcaaacagttcacatgccaaagagttt	100
aatgatttagaaaaaaaaataatgtcatattgggtttatgcattttaga	150
tactaaaagtggtaaggaagttaaattcagataagagatgtgcct	200
atgcattcaacttcaaaagcgataaatgtgtctattttgttagaacaagta	250
ccttataataagttaaataaaaaagtcataattacaaaagatgtatagt	300
tgcttattctcctatttttagaaaaatatgagggaaaagatatcactttaaa	350
agcacttattgaggcttcaatgacatatagtgataatacagcaaacaata	400
aaattataaaaagaaatcggtggaatcaaaaaagttaaacaacgtctaaaa	450
gaacttaggagataaaagtaacaaatccagtttagatgtgagatagaattaaa	500
ttactattcaccaaagagcaaaaaagatacttcaacacacctgctgcattcg	550
gtaagactttaataacttatcgcaatggaaaattaagcaaaagaaaac	600
aaaaaattcttactttagttaaataatgtttaataataaaaagcggagatacttt	650
aattaaagacgggtttccaaaagactataagggtgctgataaaaagtggtc	700
aagcaataacatatgcttctagaaatgtatgttgcattttgttatcctaag	750
ggccaatctgaacctattgttttagtcattttacgaataaagacaataa	800
aagtgataagccaaatgataagtgtataagtgtgaaaccgccaagagtgtaa	850
tgaaggaattttaaatgtttaaac	872

PmeI

SEQ. I.D. 39

9/14
Fig. 7A*SacI*

cagctttcagaaatttcggttatgcaacatcattacgttcaaacactc 50
aaggtcgcgtacttacactatgtacttcgatcactatgctgaaggcca 100
aaatcaatcgctgaagatattatcaagaaaaataaaggtaataataaa 150
cttggtttgacttagctagcctaggtaaaataacaaggtagcttaatgt 200
aagctatcatcttatagtttgattttgggtgaatgcattataaaaag 250
aattgtaaaattctttgcattcgctataaataattctcatgtatggtga 300
gaaactatcatgagagataaattt**ggtacc** 330

KpnI

SEQ. I.D. 40

10/14
Fig. 7B*PmeI*

gtttaaacgaataggagagattttataatggcaaaagaaaaattcgatcg 50
ttctaaagaacatgccaattcgtacttcgtcacgttaccatgtaaa 100
acaacattaacagcaatcgctactgtattagcaaaaaatggtgactcagt 150
tgcacaatcatatgacatgattgacaacgctccagaagaaaaagaacgtg 200
gtatcacaatcaatacttctcacattgagtaccaaactgacaaacgtcac 250
tacgctcacgttgactgcccaggacacgctgactacgttaaaaacatgat 300
cactggtgctgctcaaatggacggcggtatcttagtagtatctgctgctg 350
acggtccaatgccacaaactcgtaattcgatgc 385

EcoRI SphI

SEQ. I.D. 41

11/14
Fig. 8A*SacI*

gagctcggttgcagatggcattgtcattggtagcgaaatcgtaagcgat 50
ttaaatctaacacacgcgtgagggaaatcattaaatattacaatctatccaa 100
caaacattgaataattaatgtttacttgattaaaaaaaaataggcgaatac 150
tgtttgaaaaagtgaaaaacggtgaattataaaaattgaatacaatttcaa 200
aaaaagtaatatgagcaaacccaaacgttcattacttttttggaaatt 250
gtattcaaaaatctaaatattactataaaaagtatacgcaattaaagcgtt 300
tatgttttagtttaacattaactattgtatacttatttagatttagattt 350
attattttgacattgcagaggggtacc 379

KpnI

SEQ. I.D. 42

12/14
Fig. 8B

PmeI

gtttaaactgcaaatacggaaatgaaattaattaacgagagacaaatagg	50
agtaatgataatgaagtttacaattaaacagctaaagagttggcct	100
ttacagatagcatgccatacagtcattcacgcaaactgttggccactat	150
gagttaaagctgctgaaggttatgaaacacatttagtggaaataaaaaaa	200
caataataacgaggtcattgcagcttgcttacttactgctgtacctgtta	250
tgaaagtgttcaagtattttattcaaatcgcggtccagtgattgattat	300
gaaaatcaagaactcgtaactttttcttaatgaattatcaaaatatgt	350
taaaaaaacatcggtctataacctacatatcgatccatattaccatatc	400
aatacttgaattcgcatcg	420

EcoRI SphI

SEQ. I.D. 43

13/14
Fig. 9A*SacI*

gagctcggttcaatattaactgaaaaagaatttagattaaatattaattt 50
ggaaaaactggaacaaccaaaaagtttatgaccgcgtaggcttaatgaa 100
gagacgctaagtatTTtagatactgaaatcactaaaaaaaaacaatacctgt 150
aagacctggtagaaaatgttgcggttaattattgaggtcgctgcaatgaaact 200
atcgattaaatatcatggcattaacactgccgaagaatttagtggaaaga 250
ttaaatgaagaaattatcaagaacagtcatagaggtacc 290

KpnI

SEQ. I.D. 44

14/14
Fig. 9B

PmeI

gtttaaacggaggagtaggtaatgggtattgtat	ttactataatatagat	50
cctgtggcatttaacttaggaccactgagtgtac	catggatggaattat	100
cattgtgtcgaaatattacttggttacttgcaca	acacgtgcactat	150
ttaaagcaggattacataaagatacttttagat	atttttatatgt	200
gcactattggatttatcgccgacgaatctattt	gtgatttccaatg	250
gccatattacgcggaaaatccaagtgaattat	aaaatatggcatgg	300
gaatagcaatacatgggtttaataggtggcttatt	gtctggttatt	350
gtatgtaaaggaaaaatttaaacccattcaaatt	ggtgatatcggtcg	400
ccaagtataatttagcgcaaggaaattcgcatgc		434

EcoRI SphI

SEQ. I.D. 45